

# 한 국 제 약 바 이 오 협 회

Korea Pharmaceutical and Bio-Pharma Manufacturers Association

우 06666 서울특별시 서초구 효령로 161 / 전화 02-6301-2141 / 전송 02-6499-2134 / sjm@kpbma.or.kr

문서번호 : 융합연구팀|교육운영팀-2024-00142

시행일자 : 2024-07-02(화)

수 신 : 전 회원사 연구소장, 유관기관장

참 조 :

제 목 : 2024 LAIDD 멘토링 프로젝트 개최 알림

- 귀사의 무궁한 발전을 기원합니다.
- 우리협회 AI신약융합연구원에서는 AI신약개발 분야 전문인력 양성을 위해 「2024년 인공지능(AI) 활용 신약개발 교육 및 홍보」사업을 추진하고 있습니다.
- 이에 아래와 같이 "2024 LAIDD 멘토링 프로젝트"를 실시합니다.

- 아 래 -

가. 교육명 : 도전 LAIDD, AI 신약개발 멘토링 프로젝트

나. 목 적 : AI 신약개발 현장에 투입 가능한 전문인력 양성(40~50명)

다. 대 상 : AI 모델 구현 경험이 있는 산업계 종사자, 대학(원)생

라. 신 청 : [www.laidd.org](http://www.laidd.org) (공지사항 참고, 7.12(금)까지 제출)

마. 선발방법 : 서류심사 -> 온라인 테스트 -> 멘토강사 면접

바. 수행방식 : 멘토강사의 프로젝트 주제별 교육생 팀 프로젝트

사. 수행기간 : 2024년 7월 ~ 11월(on/off 병행)

\* 교육생 모집, 선발(7월)⇒프로젝트 수행(교육, 멘토링, 우수사례 발표 등 / 8월~10월)⇒결과물 제출(11월)

아. 참가비 : 무료

자. 프로그램

멘토	프로젝트 주제	선발 기준
김상수 명예교수 (숭실대학교)	유전역학 기반 복잡질환 신약 타겟 발굴 및 검증	- R/Bioconductor 중급 이상 - 리눅스 shell 숙련
남호정 교수 (광주과학기술원)	저분자 화합물 생성 및 표적 단백질에 대한 활성 예측	- 파이썬 중급 - 파이토치 중급
염민선 연구소장 (나무ICT) *(전)한국과학기술정보연구원 슈퍼컴퓨팅응용센터 센터장	단백질-리간드 결합 자유에너지 예측 모델	- 파이썬 초급 - 계산화학 초급
이주용 교수 (서울대학교)	딥러닝을 활용한 저해제 후보물질 거대 가상 스크리닝 실습	- 리눅스 터미널 명령어 초급 - 파이썬 초급 - 일반화학, 유기화학, 단백질 구조 기본
황대희 교수 (서울대학교)	멀티오믹스 데이터 통합분석을 통한 암치료 약물 타겟 발굴	- NGS 시퀀싱 데이터 분석 경험 - 기본 통계(가설 검증 등) 및 다변량 통계분석법 - Matlab/R/파이썬 코딩 경험

차. 문 의 : AI신약융합연구원 신정민PL(sjm@kpbma.or.kr, 02-6301-2188). 끝.

붙임1. 2024 LAIDD 멘토링 프로젝트 실시(안)

붙임2. 2024 LAIDD 멘토링 프로젝트 포스터

## 한 국 제 약 바 이 오 협 회 장



※ 이 문서는 협회 회원사에 한해 홈페이지([www.kpbma.or.kr](http://www.kpbma.or.kr)) '공지사항'에서 열람하실 수 있습니다.